

遺伝子発現データベースオンライン解析ツール GENEVESTIGATOR

場 所 先端酵素学研究所 B 棟 1F 交流ホール

日 時 平成 30 年 10 月 10 日 (水) 13:00~15:00

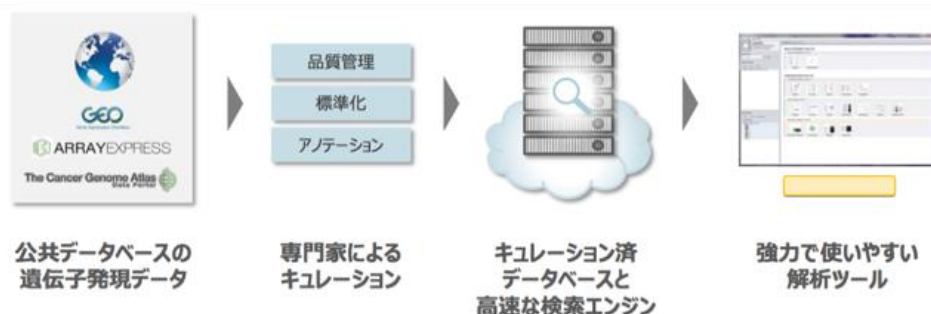
講 師 株式会社モルシス 石井 聡
Nebion AG Frank Staubli (フランク スタブリ)

- 1) GENEVESTIGATOR の概要 (日本語)
- 2) GENEVESTIGATOR の操作説明 (デモ、日本語)
- 3) GENEVESTIGATOR の最新情報 (英語)

NCBI の GEO や EBI の ArrayExpress などの公共データベースには膨大なマイクロアレイや次世代シーケンサーの遺伝子発現データが登録されていますが、これらの大量な実験結果を統合解析して新たな発見ができないかと思ったことはないでしょうか？

遺伝子発現データベースの GENEVESTIGATOR は、そのような解析を可能にするオンライン解析ツールです。あなたが注目する実験条件における標的遺伝子の同定や実験で得られた発現変動遺伝子の優先順位付けなどを簡単かつ正確に行うことができます。

GENEVESTIGATOR は先端酵素学研究所で昨年度より導入し、学内の希望する研究室で利用が可能です。



公共データベースを基にしたキュレーション済データの検索エンジン