

## 次世代シーケンサーセミナー HiSeq1500/MiSeq 使用説明会

- 日時 平成27年12月11日（金）13:00-17:30
- 場所 疾患プロテオゲノム研究センター 1F 交流ホール
- 講師 株式会社 フィールド アプリケーション部 仲 健太氏（予定）
- 内容 第1部 13:00- NGSの原理と解析概要（13:00 - 14:00）  
MiSeqの取り扱い説明会（14:00 - 15:00）  
第2部 16:00- HiSeq/MiSeqのアプリケーションとコストについて  
質疑応答・個別相談 注）1部と2部の間は1時間空いています

この度、全学共同機器として疾患プロテオゲノム研究センター1F 共同機器室内に設置されているIllumina社のHiSeq1500 および MiSeq の使用説明会を開催いたします。

HiSeq1500 システムは、従来の全ゲノムシーケンス解読のようなハイスループット機能に加え、中規模スケールのゲノム解析（少数サンプルの全エクソン解析など）およびトランスクリプトーム解析を可能にした次世代シーケンサーです。1サンプル毎のランニングコストの低減、解析時間の大幅短縮を実現した本システムでは、ターゲットリシーケンスやエピジェネティクス解析も可能です。一方、MiSeqは、クラスター形成・DNAシーケンス・解析を1台で実施する事が可能なデスクトップ型次世代シーケンサーで、小規模ゲノム解析、アンプリコンシーケンスやHLAタイピングなど、よりフォーカスしたアプリケーションに最適な機器となっています。

本セミナーの第1部は、イルミナ社が次世代シーケンサー初学者を対象に開催している「次世代シーケンス解析超入門」講習会の内容を短時間で受講できる内容となっており、第2部では、より具体的に、HiSeq1500 および MiSeq を用いた最近の解析例に基づいたライブラリー調整法や実験コストについてのご説明を予定しております。どの時間帯からも参加可能ですので、ご興味のある先生方は奮ってご参加ください。

下記開催担当連絡先まで事前にお申し込みいただければ詳細資料をご用意致します。